

بررسی مولکولی فعالیت پروتئینی ۳C در پاراکو ویروس انسانی تیپ یک

چکیده

زمینه و هدف: پاراکوویروس‌های انسانی، جزء خانواده پیکورنا ویروس‌ها می‌باشند که از نظر کلینیکی حائز اهمیت هستند. اخیراً بررسی توالی ژنوم پاراکوویروس تیپ یک نشان داده است که این ویروس، از پیکورنا ویروس‌های دیگر متفاوت بوده و قادر موتیفی است که در فعالیت پروتئازی ۲A دخالت دارد. هدف از انجام این مطالعه، بررسی فعالیت پروتئینی ۳C در پاراکو ویروس انسانی تیپ یک می‌باشد.

روش بررسی: این مطالعه از نوع بنیادی کاربردی می‌باشد. ناحیه کد کنترله پروتئین ۳C از cDNA (Complementary DNA) pFG3 (Expression plasmid vector) pUBS گردید. پس از انتقال پلاسمید و تکثیر آن در باکتری E.coli MC10.22، به طریق استخراج با فنل، DNA جدا شد و سپس در سیستم پروکاریوتی (E.coli BL21) و روش درون لوله‌ای (In vitro)، تحت پرموتور T7 بیان گردید. نتایج با SDS-PAGE (Sodium dodecyl sulfate-Polyacrylamid gel electrophoresis) یافته‌ها: با بررسی محصول بیان پلاسمید نوترکیب فاقد ژن ۳C در هر دو سیستم پروکاریوتی و In vitro، یک باند بزرگ در حدود ۹۰ کیلو دالتون مشاهده گردید. در صورتی که وقتی محصول بیان پلاسمید نوترکیب حاوی ۳C در هر دو سیستم توسط پلی‌آکریل آمید ۷L بررسی شد، بجای یک باند بزرگ، چندین باند کوچک مشاهده شد که دلالت بر خاصیت پروتئازی پروتئین ۳C می‌کند. در ضمن وقتی آنتی‌پروتئاز به محصول پلاسمید حاوی ژن ۳C اضافه گردید، نتیجه، مشابه محصولات حاصل از بیان پلاسمید فاقد ژن ۳C بود.

نتیجه‌گیری: نتایج نشان داد که پاراکوویروس‌های انسانی تیپ یک، از نظر فعالیت پروتئولیتیکی، متفاوت از دیگر پیکورنا ویروس‌های می‌باشند و در این ویروس‌ها، فقط پروتئین ۳C دارای خاصیت پروتئازی بوده و کلیه کلیواژهای پلی‌پروتئین اولیه ویروس توسط این پروتئاز انجام می‌شود.

کلیدواژه‌ها: ۱- پیکورنا ویروس‌ها ۲- پاراکو ویروس‌های انسانی ۳- پروتئاز ۴- بیان ژن

*دکتر فریده قاضی I

علی‌اکبر گرزین II

دکتر محمود شمس شهرآبادی III

بهاره دبیرمنش IV

تاریخ دریافت: ۸۴/۶/۲۸، تاریخ پذیرش: ۸۵/۹/۵

مقدمه

پاراکوویروس‌های انسانی، یکی از جنسهای پیکورنا ویروس‌ها هستند که شامل دو پاتوژن پاراکو ویروس انسانی تیپ یک و دو می‌باشند.^(۱-۴) این ویروس‌ها در سال ۱۹۵۶ در یک اپیدمی اسهال تابستانی، جدا شده و قبلاً به نام اکتوویروس ۲۲ و ۲۳ در گروه اینتروویروس‌ها قرار

خانواده پیکورنا ویریده، شامل ویروس‌های بدون پوشش با ژنوم RNA تک رشته‌ای با قطبیت مثبت می‌باشند. طول ژنوم این ویروس‌ها ۷۰۰۰-۹۵۰۰ نوکلئوتید است که در داخل کپسیدی که از ۶۰ کپی از پروتئین‌های کپسیدی VP1-VP4 تشکیل شده است، قرار دارد.^(۱-۳) (Virus capsid proteins)

I) دانشیار و دکترای (phD) بیولوژی مولکولی، دانشکده پزشکی، تقطیع بزرگراه شهید همت و چمران، دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی - درمانی ایران، تهران، ایران (مؤلف مسؤول).

II) کارشناس ارشد ویروس‌شناسی.

III) استاد و دکترای ویروس‌شناسی، دانشکده پزشکی، تقطیع بزرگراه شهید همت و چمران، دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی - درمانی ایران، تهران، ایران.

IV) کارشناس ارشد بیوشیمی.