

آنالیز مقایسه‌ای سه روش استخراج RNA در گیاه دارویی کارلا (*Momordica charantia*)

ماریه صیدی^۱، حسین کمال‌الدینی^۲، فاطمه حدادی^۳، سیده سمیرا اشرف منصوری^۴

۱- کارشناسی ارشد ژنتیک، دانشگاه زابل

۲- استادیار، دانشگاه زابل

۳- استادیار، دانشگاه زابل

۴- کارشناسی ارشد ژنتیک، دانشگاه زابل

چکیده

استخراج RNA از جمله مراحل بسیار مهم در مطالعات مولکولی بوده و نتایج کارهایی چون RACE، Real-time PCR و غیره به کمیت و کیفیت آن بستگی دارد. روش‌های مختلفی برای استخراج RNA از گیاهان در دسترس است. با این حال استخراج RNA از گیاهانی که واجد مقادیر بالای کربوهیدرات و متابولیت‌های ثانویه چون پلی فنل‌ها می‌باشند به سختی صورت می‌گیرد. کارلا از جمله گیاهان دارویی ارزشمند به عنوان آنتی HIV و ضد دیابت، واجد سطوح متفاوتی از متابولیت‌های ثانویه می‌باشد. تاکنون روش مناسبی جهت استخراج RNA کل از این گیاه، به منظور آنالیز بیان ژن *MAP30* که در درمان بیماری‌های مذکور نقش دارد معرفی نگردیده است. از این رو در این پژوهش به مقایسه سه روش استخراج با کیت‌های تجاری، SDS و CTAB با هدف شناسایی بهترین روش برای استخراج RNA کل از گیاه کارلا پرداخته شد. نتایج نشان داد که استخراج RNA با روش CTAB از کیفیت و کمیت بالاتری نسبت به دو روش دیگر برخوردار بوده و در شرایط وجود متابولیت‌های ثانویه بالای گیاه مذکور بهتر عمل می‌نماید. بنابراین استفاده از این روش در مطالعات بعدی جهت استخراج RNA کل از این گیاه پیشنهاد می‌گردد.

واژگان کلیدی: کارلا، استخراج RNA، متابولیت‌های ثانویه، CTAB